

Gepaarter t-Test

1

Daten: 32, -154, -35, -142, -32, -59, 8, -65, -50, -78,
-167, 8, -38, -50, -5, 14

Weggelassen: 3015

$$n = 16$$

$$\bar{x}_n = \frac{1}{16} \cdot (32 - 154 \dots + 14) \approx -51$$

$$\hat{\sigma}_x = \sqrt{\frac{1}{16-1} \left[(32 - (-51))^2 + (-154 - (-51))^2 + \dots + (14 - (-51))^2 \right]} \approx 60$$

1) Modell: x_i : optisch-akustisch für Student i in ms

$$x_1, \dots, x_n \sim N(\mu, \sigma_x^2) \text{ iid}$$

2) $H_0: \mu = \mu_0$; $H_A: \mu \neq \mu_0$ mit $\mu_0 = 0$

3) Teststatistik:

$$T = \frac{\bar{x}_n - \mu_0}{\hat{\sigma}_{\bar{x}_n}} = \frac{\bar{x}_n - \mu_0}{\hat{\sigma}_x / \sqrt{n}}$$

Falls H_0 stimmt: $T \sim t_{n-1} = t_{15}$ (linken im Skript tabelliert)

4) Signifikanzniveau: $\alpha = 0,05$

5) Verwerfungsbereich:

$$K = (-\infty; -t_{15; 0,975}] \cup [t_{15; 0,975}; \infty)$$

$$\text{Aus Tabelle: } t_{15; 0,975} = 2,131$$

$$\Rightarrow K = (-\infty; -2,131] \cup [2,131; \infty)$$

6) Entscheid: Beobachtet $t = \frac{\bar{x}_n - \mu_0}{\hat{\sigma}_x / \sqrt{n}} = \frac{-51 - 0}{60 / \sqrt{16}} \approx -3,4$

$t \in K \Rightarrow H_0$ wird verworfen

95% - Vertrauensintervall (für zweiseitigen Test):

②

$$\bar{x} \pm t_{15; 0,975} \frac{\hat{\sigma}_x}{\sqrt{n}} =$$

$$= -51 \pm 2,131 \cdot \frac{60}{\sqrt{16}} \approx -51 \pm 32$$

$$\Rightarrow 95\% - \text{VI: } [-83 ; -19]$$

Enthält den Wert 0 nicht

→ auch so kann man sehen, dass $H_0: \mu = 0$ auf

○ 5% Sign.niveau verworfen wird

(Siehe Skript für einseitige Tests und VI's)

Ungepaarter t-Test

3

Aktivität Gen 1

Gruppe Typ 1: $x_1 = 2,1$; $x_2 = 1,3$; $x_3 = 1,9$; $x_4 = 1,2$; $x_5 = 1,4$; $n = 5$

Gruppe Typ 2: $y_1 = 1,9$; $y_2 = 2,5$; $y_3 = 2,4$; $y_4 = 2,9$; $m = 4$

$$\bar{x} = 1,58; \quad \bar{y} = 2,43; \quad \hat{\sigma}_x^2 = 0,40; \quad \hat{\sigma}_y^2 = 0,41$$

1) Modell: $X_1, \dots, X_n \sim \mathcal{N}(\mu_x, \sigma^2)$ iid

$Y_1, \dots, Y_m \sim \mathcal{N}(\mu_y, \sigma^2)$ iid

2) $H_0: \mu_x = \mu_y$; $H_A: \mu_x \neq \mu_y$ (oder einseitig; s. Skript)

3) Teststatistik

$$T = \frac{(\bar{X}_n - \bar{Y}_m) - (\mu_x - \mu_y)}{\hat{\sigma}_{(\bar{X}_n - \bar{Y}_m)}} = \frac{(\bar{X}_n - \bar{Y}_m)}{\hat{\sigma}_{(\bar{X}_n - \bar{Y}_m)}}$$

$$\hat{\sigma}_{(\bar{X}_n - \bar{Y}_m)} = S_{\text{pool}} \cdot \sqrt{\frac{1}{n} + \frac{1}{m}}$$

$$S_{\text{pool}}^2 = \frac{1}{n+m-2} \cdot \left((n-1) \hat{\sigma}_x^2 + (m-1) \hat{\sigma}_y^2 \right)$$

Falls H_0 stimmt: $T \sim t_{n+m-2} = t_7$

4) $\alpha = 0,05$

5) Verwerfungsbereich:

$$K = (-\infty; -t_{n+m-2; 1-\frac{\alpha}{2}}] \cup [t_{n+m-2; 1-\frac{\alpha}{2}}; \infty) =$$
$$\approx (-\infty; -2,26] \cup [2,26; \infty) \quad (\text{oder einseitig; s. Skript})$$

6) Testentscheid: Beobachtet $t = \frac{1,58 - 2,43}{0,27} \approx -3,15$

$t \in K \Rightarrow H_0$ wird auf dem 5% Signifikanzniveau verworfen (d.h. Gene sind unterschiedlich aktiv)