

ZÜRCHER KOLLOQUIUM ÜBER ANWENDUNGSORIENTIERTE **STATISTIK**

Einladung zum Kolloquium

Thema **Methoden des maschinellen Lernens für hochdimensionale Probleme in der Bioinformatik**

Referent **Dr. Bernhard Schölkopf**
Max-Planck-Institut für biologische Kybernetik, Tübingen

Datum, Zeit Donnerstag, 11. April 2002, 16.15 – ca. 17.30

Ort Hauptgebäude der Universität, Hörsaal **E 18**

Zusammenfassung

Wir stellen Methoden zur Anwendung von Support Vektor Maschinen vor in Situationen, wo die Daten hochdimensional und redundant sind. Solche Situationen treten oft in der Bioinformatik auf, insbesondere wenn man nichttriviale Kerne wie etwa sogenannte string kernels zum Vergleich von Sequenzen von Aminosäuren verwendet. Einige Anwendungen werden den Ansatz illustrieren.

Die für das Verständnis relevanten Konzepte von Support Vektor Maschinen werden im Vortrag erläutert.

Auskunft Seminar für Statistik, ETH, 8092 Zürich
Tel. 01 - 632 3438, zukost@stat.math.ethz.ch
<http://stat.ethz.ch/zukost.html>



Eidgenössische Technische Hochschule Zürich
Swiss Federal Institute of Technology Zurich

